

Dr. rer. nat. Nantia Leonidou



Postdoc - DKFZ Heidelberg

Rolle in LiSyM-Cancer

- SMART-NAFLD
- Klingmüller Labor

Expertise

- Mathematische Modellierung
- Signalübertragung und Stoffwechsel
- Bioinformatik
- Datenanalyse
- Maschinelles Lernen

Professional Experience

- Exzellenzcluster: „Controlling Microbes to Fight Infections“ (CMFI) – Computermodellierung und experimentelle Validierung mikrobieller Interaktionen
- Deutsches Zentrum für Infektionsforschung (DZIF) als Teil des Netzwerks zur Erforschung nosokomialer und antibiotikaresistenter bakterieller Infektionen (HAARBI) – Computergestützte Systembiologie von Infektionen und antibiotikaresistenten Erregern

Degrees

- **PhD (Dr. rer. nat.)**
Universität Tübingen
Doktorarbeit am Institut für Informatik
Computergestützte Systembiologie und In-silico-Modellierung für die Bekämpfung von Infektionskrankheiten
- **Master of Science:**
Universität Tübingen
Masterarbeit am Institut für Informatik *Gewebespezifische Rekonstruktion von auf Beschränkungen basierenden Stoffwechselmodellen auf der Grundlage von ReconX*
- **Bachelor of Science:**
University of Tübingen
Bachelor thesis at the Department for Computer Science
Ein integriertes Analysewerkzeug für die SILAC-Proteomik

Hanors and Awards

- ILW-Anerkennungspreis, Gesellschaft für Informatik (GI) und Deutsche Gesellschaft für Medizinische Informatik, Biometrie und Epidemiologie (GMDS)

Publikationen

2025-11-01	Diclofenac and acetaminophen dim the acute-phase response but amplify expression of the iron regulator hepcidin in liver cancer cells <i>Cell Systems</i>
2025-06-17	Genome-scale metabolic model of <i>Staphylococcus epidermidis</i> ATCC 12228 matches <i>in vitro</i> conditions <i>mSystems</i>
2025-05-23	Metabolic modeling elucidates phenformin and atpenin A5 as broad-spectrum antiviral drugs against RNA viruses <i>Communications Biology</i>
2024-09-26	FROG Analysis Ensures the Reproducibility of Genome Scale Metabolic Models
2024-09-23	Exploring the metabolic profile of <i>A. baumannii</i> for antimicrobial development using genome-scale modeling <i>PLOS Pathogens</i>
2024-06-04	Genome-scale model of <i>Rothia mucilaginosa</i> predicts gene essentialities and reveals metabolic capabilities <i>Microbiology Spectrum</i>
2023-07-01	SBOannotator: a Python tool for the automated assignment of systems biology ontology terms <i>Bioinformatics</i>
2023-03-23	New workflow predicts drug targets against SARS-CoV-2 via metabolic changes in infected cells <i>PLOS Computational Biology</i>